

# Tudományra nézve új taxonok leírása

## Taxonomic descriptions

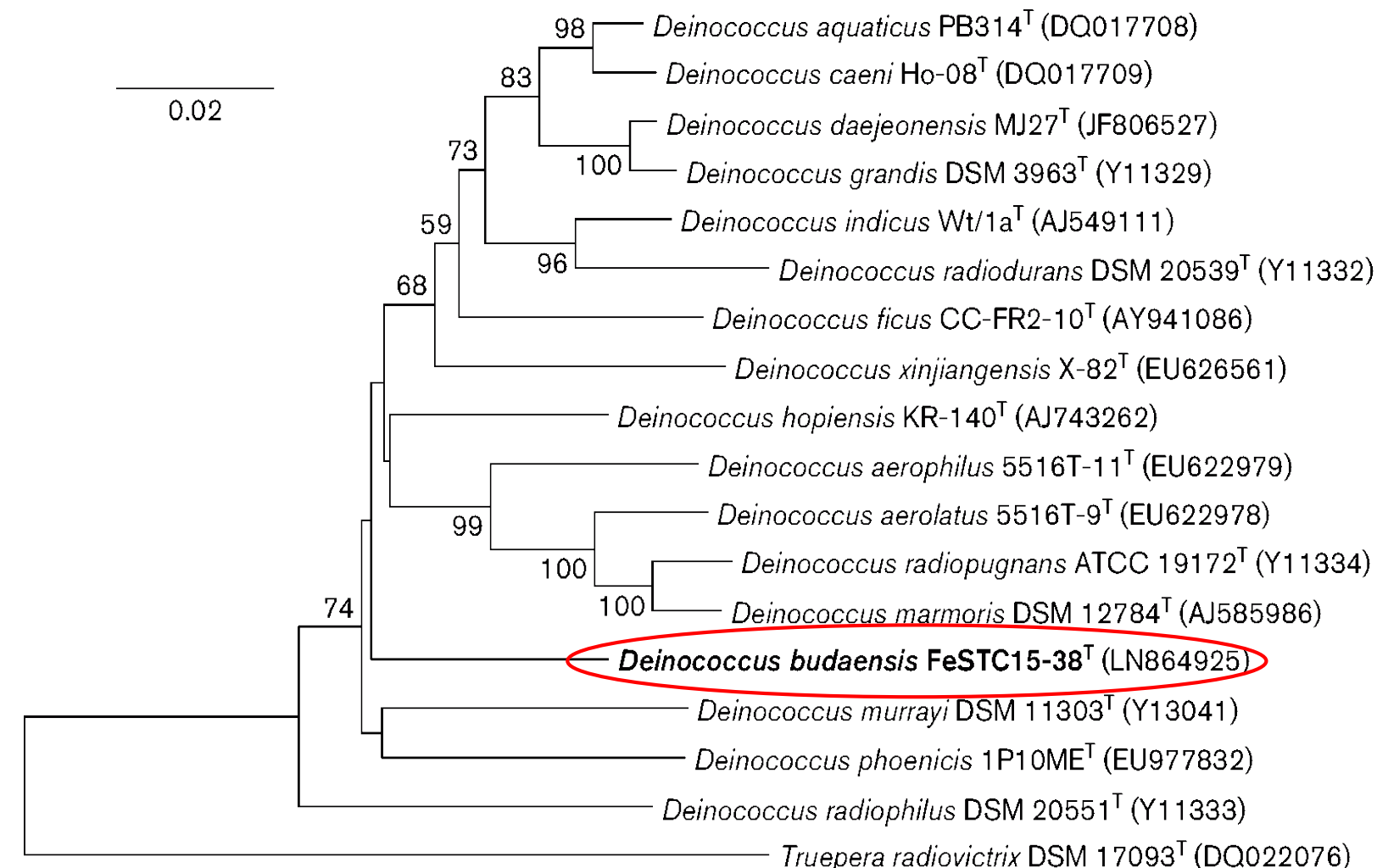
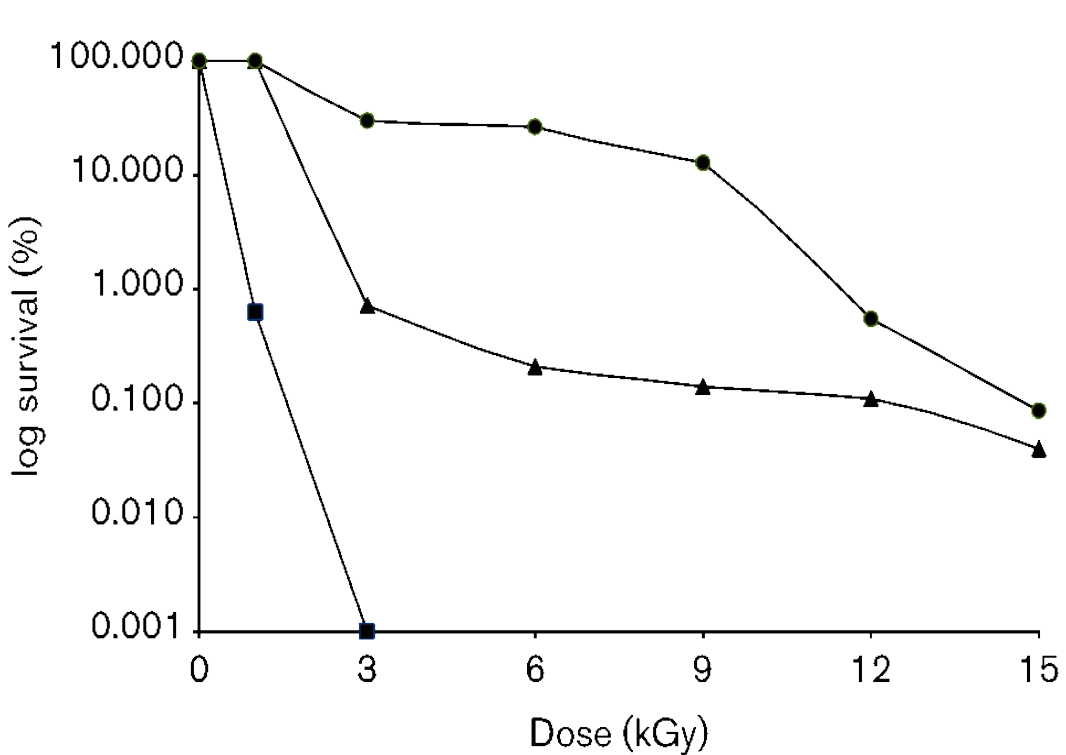
A tudományra nézve új prokarióta és eukarióta taxonómiai csoportok leírása is kapcsolódik az ELTE Mikrobiológiai Tanszékéhez.

➔ 60, a tudományra nézve új taxon...

Polifázikus megközelítés: morfológia, ökológiai és fiziológiai tolerancia vizsgálata, klasszikus biokémiai tesztek és gyorsdiagnosztikai eljárások, kemotaxonómiai vizsgálatok, MALDI-TOF MS, 16S rRNS gén és funkciógének bázissorrend elemzése, baktériumtörzsek G+C arányának meghatározása, baktériumtörzsek közötti DNS-DNS hibridizáció vizsgálata, RiboPrint analízis, teljes genom analízis, filogenetikai és filogenomikai elemzés.

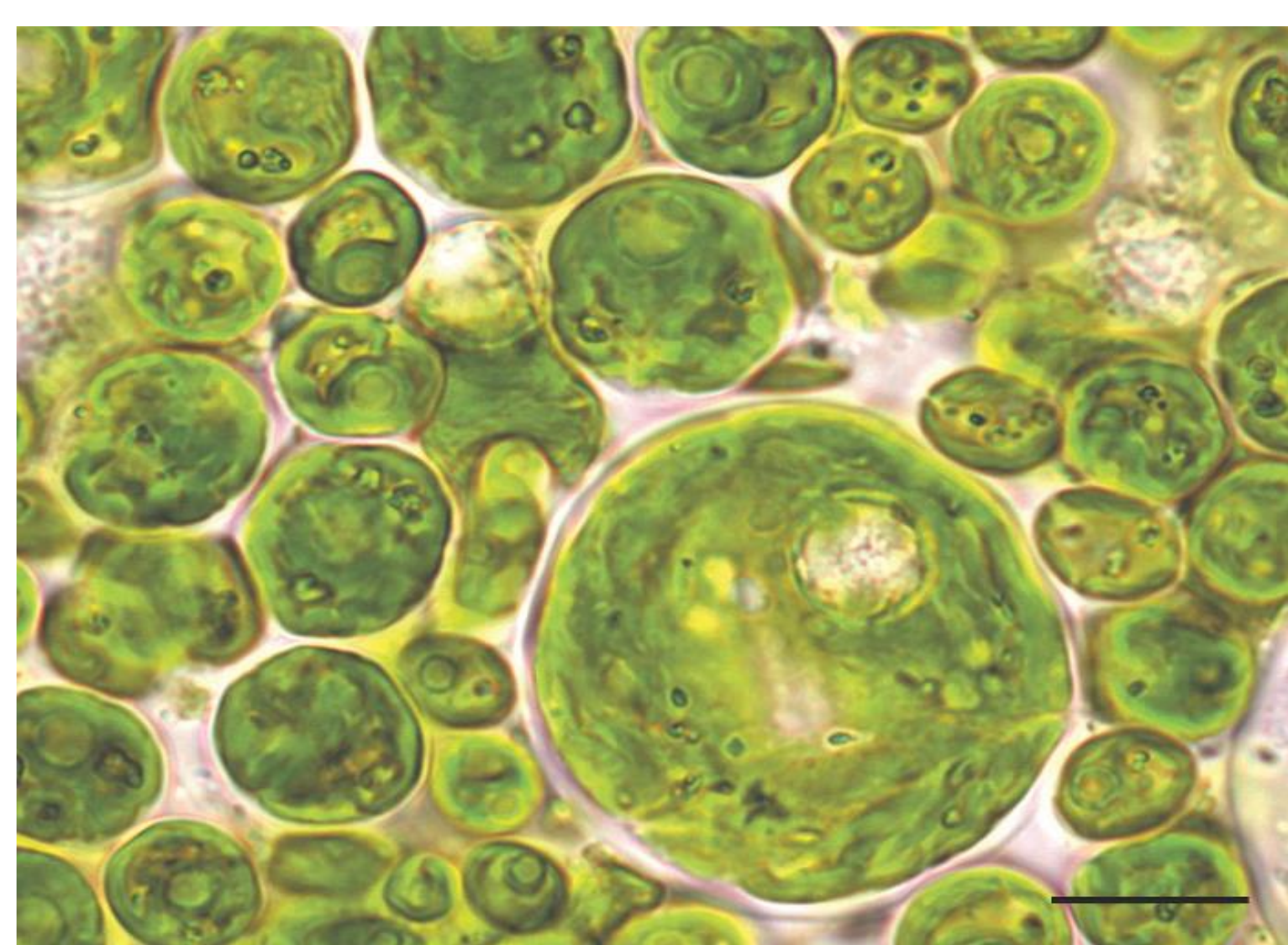
### *Deinococcus budaensis* sp. nov.

A baktérium egy hidrotermális forrásbarlang biofilm mintájából származik, erőteljesen sugárrezisztens



FeSTC15-38<sup>T</sup> baktériumtörzs rokonsági viszonyait szemléltető filogenetikai fa

(Bóka Károly felvétele)

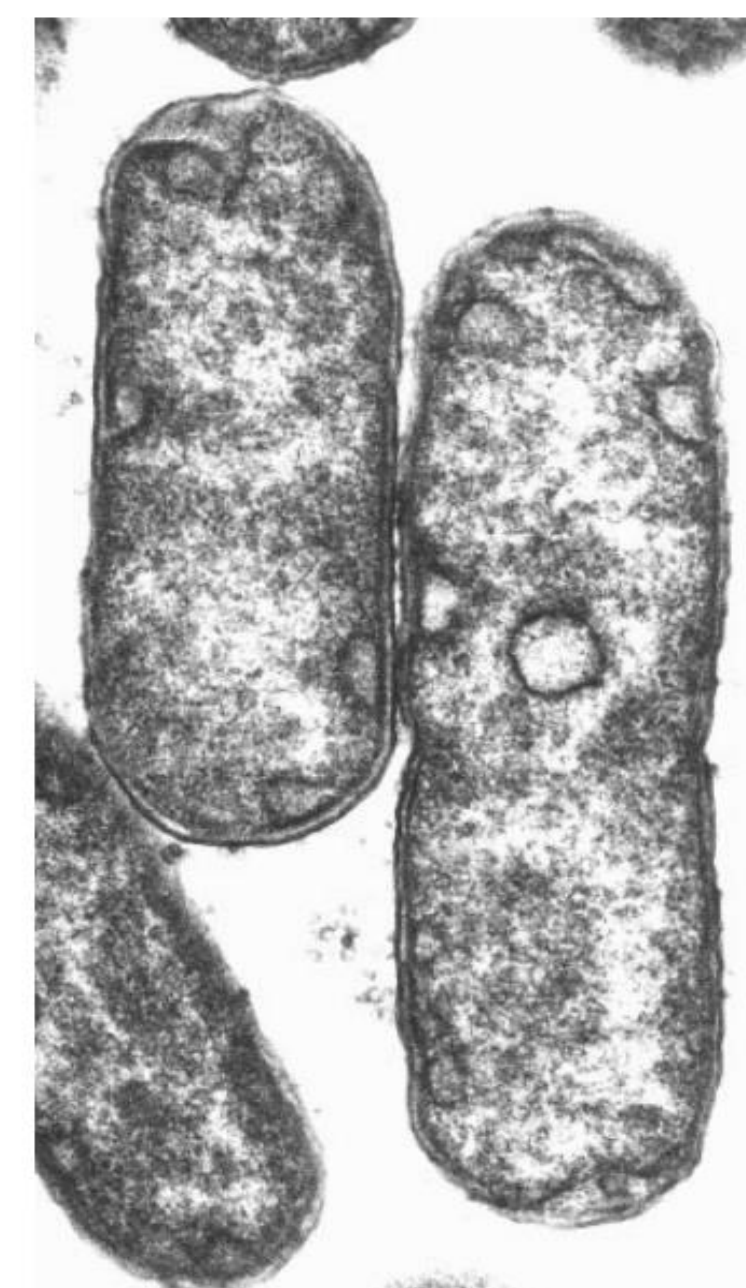


Az új fajként leírt *Chlorococcum szentendrense* zöldalga változatos méretű sejtjeinek fénymikroszkópos képe. A törzset egy időszakos édesvízi tóból izolálták. Méretvonal: 10 µm (Greipel Erika felvétele)



Bomló tengerifűből leírt új televényféreg faj (*Marionina vesiculifera*) fénymikroszkópos képe (Dózsa-Farkas Klára felvétele)

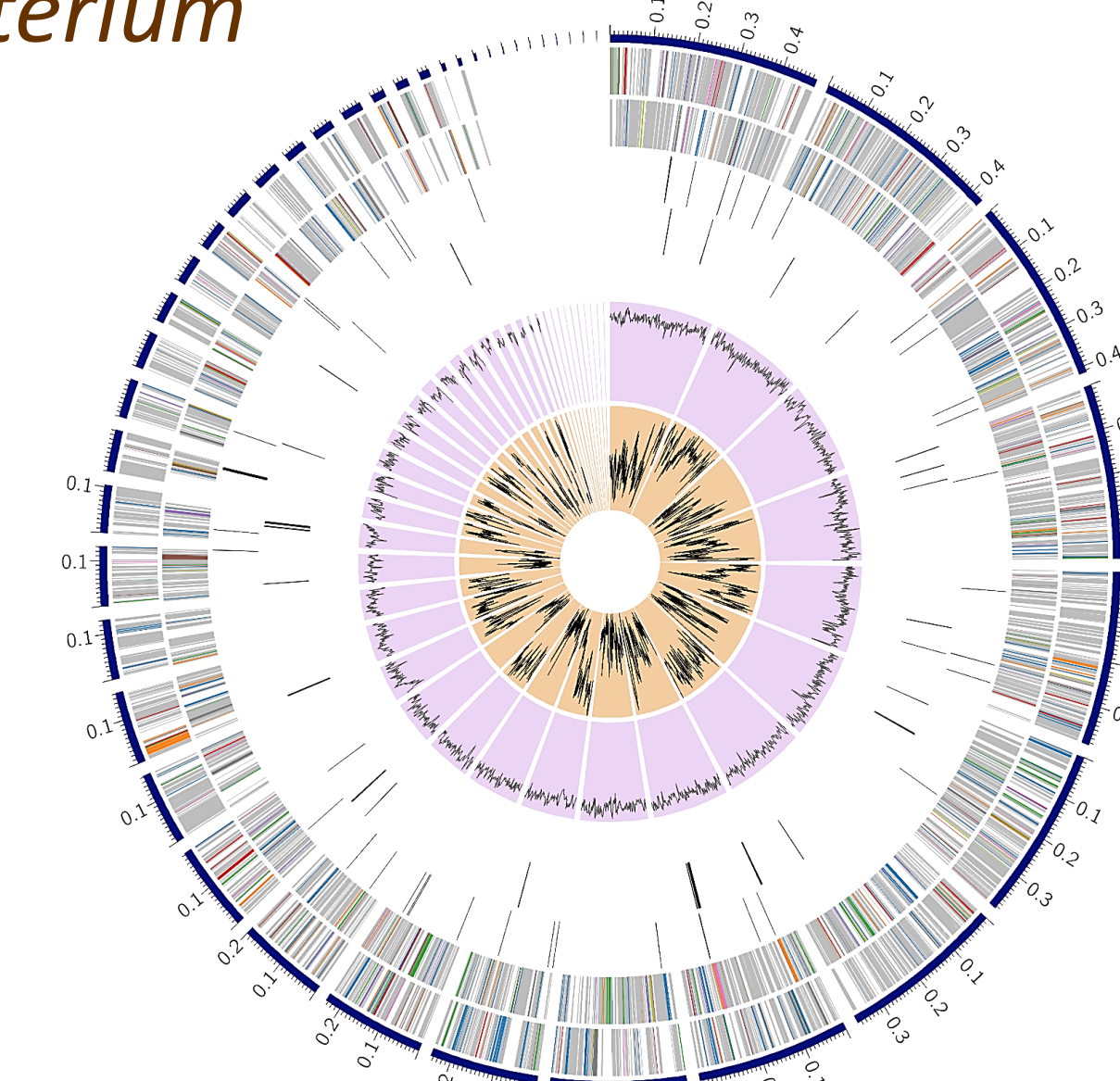
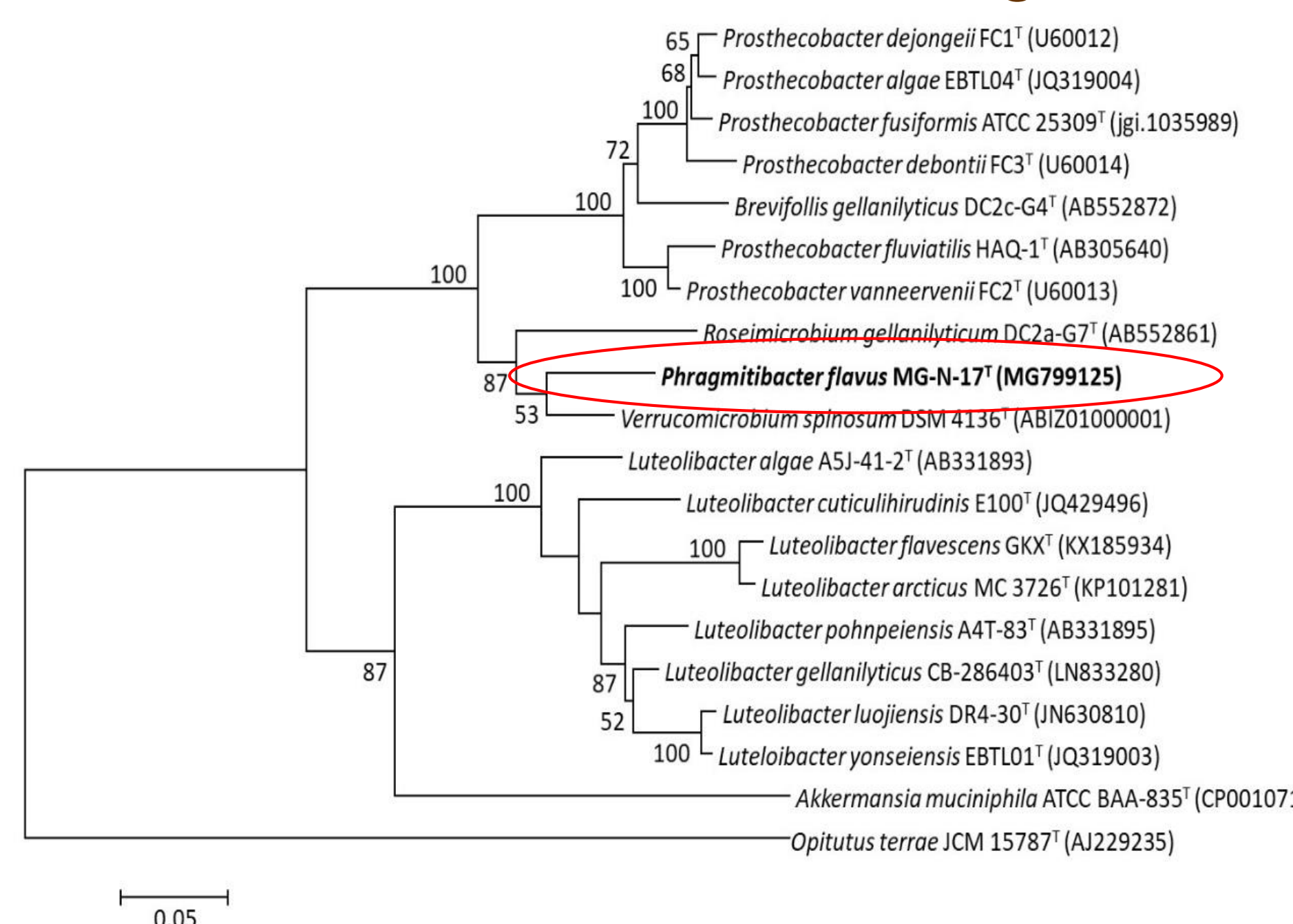
Egyik első, általunk leírt baktérium a *Schineria larvae* gen. nov. sp. nov., egy parazita légyfaj lárvájából származik. 2008-ban nevezéktani revíziója is szükségessé vált.



Az L1/68T baktériumtörzs hosszmetsete (TEM) (Kovács L. Attila felvétele)

**Taxonomic Note**  
Proposal to replace the illegitimate genus name *Schineria* Tóth et al. 2001 with the genus name *Ignatzschineria* gen. nov. and to replace the illegitimate combination *Schineria larvae* Tóth et al. 2001 with *Ignatzschineria larvae* comb. nov.  
Erika M. Tóth,<sup>1</sup> Andrea K. Borsodi,<sup>1</sup> Jean P. Euzéby,<sup>2</sup> Brian J. Tindall<sup>3</sup> and Károly Máriaigetzi<sup>1</sup>  
<sup>1</sup>Department of Microbiology, Eötvös Loránd University, Pázmány Péter str. 1/c, H-1117 Budapest, Hungary  
<sup>2</sup>Société de Bactériologie Systématique et Vétérinaire (SBSeV) and École Nationale Vétérinaire de Toulouse (ENVT), BP. 87614, 31076 Toulouse cedex 3, France  
<sup>3</sup>Deutsche Sammlung von Mikroorganismen und Zellkulturen GmbH, Mascheroder Weg 1b, 38124 Braunschweig, Germany

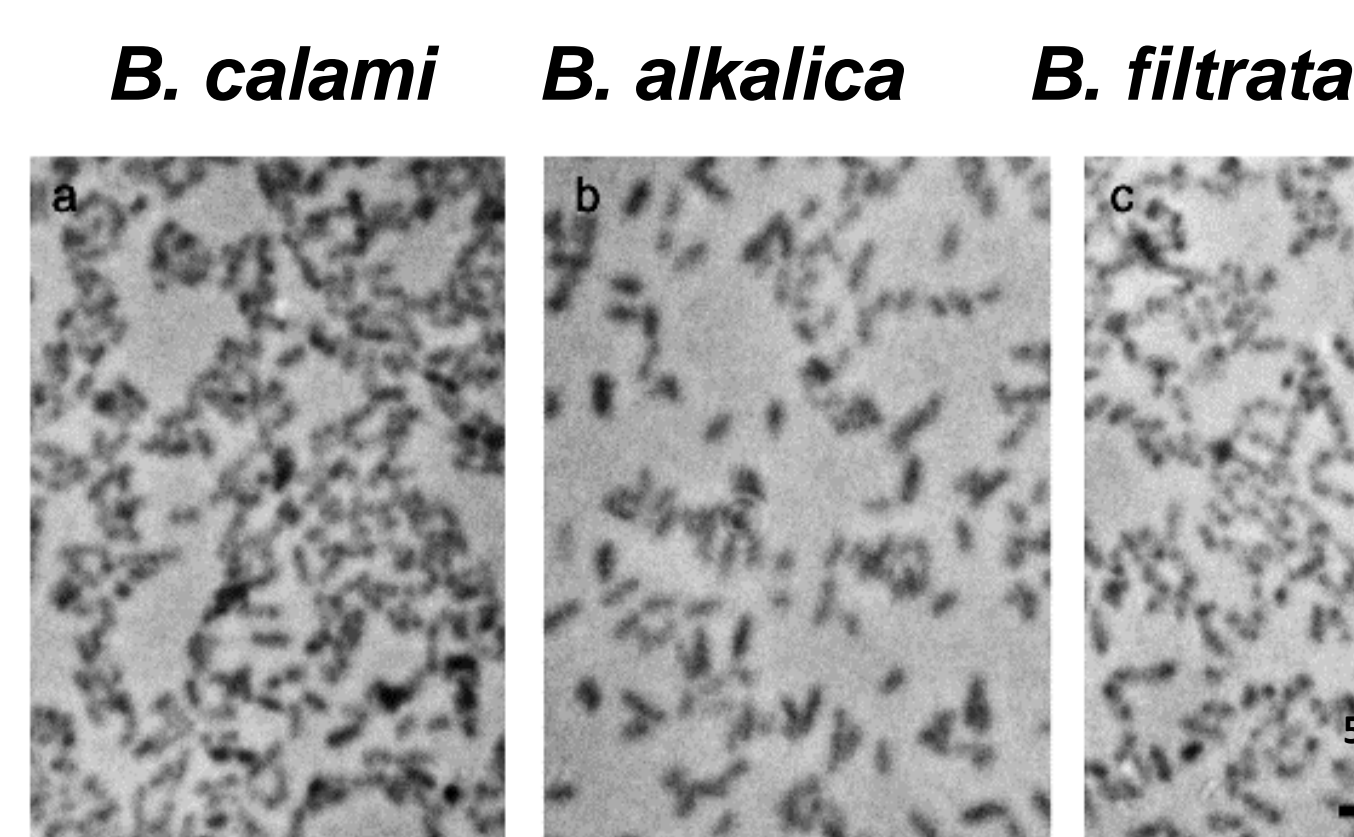
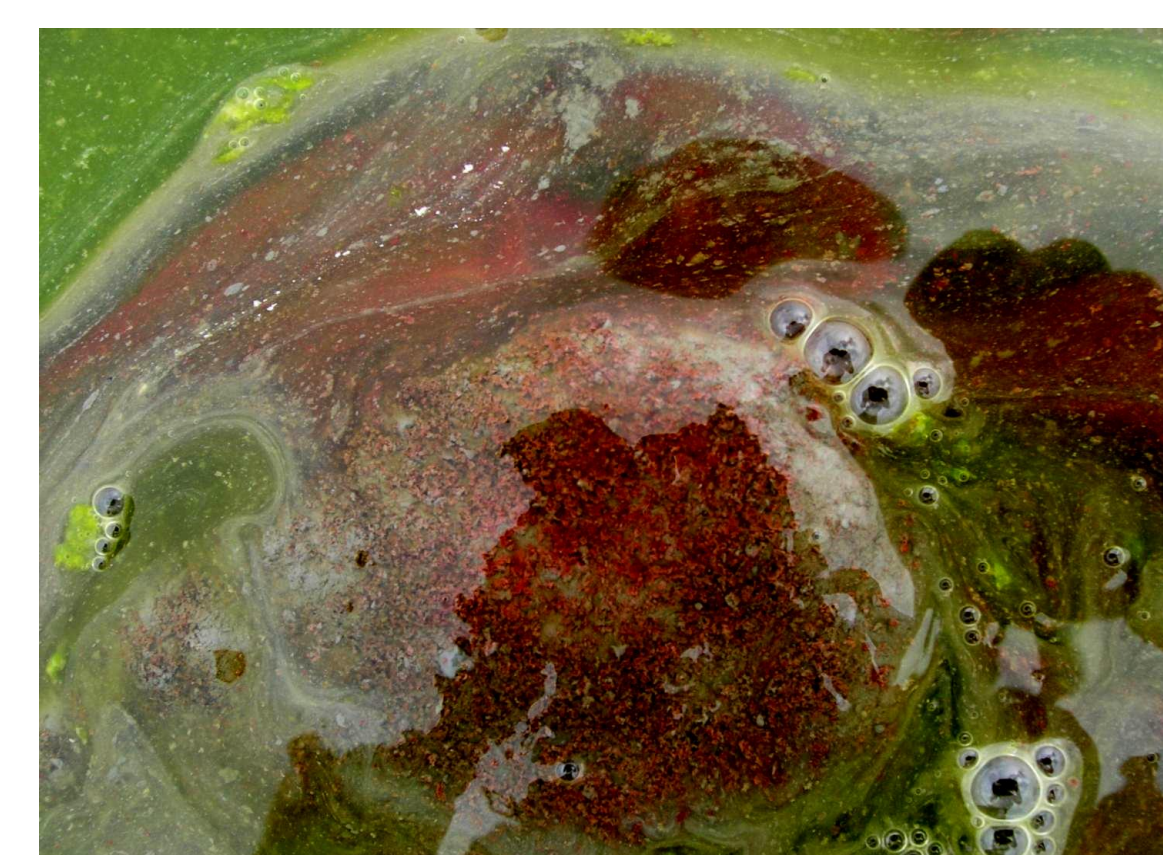
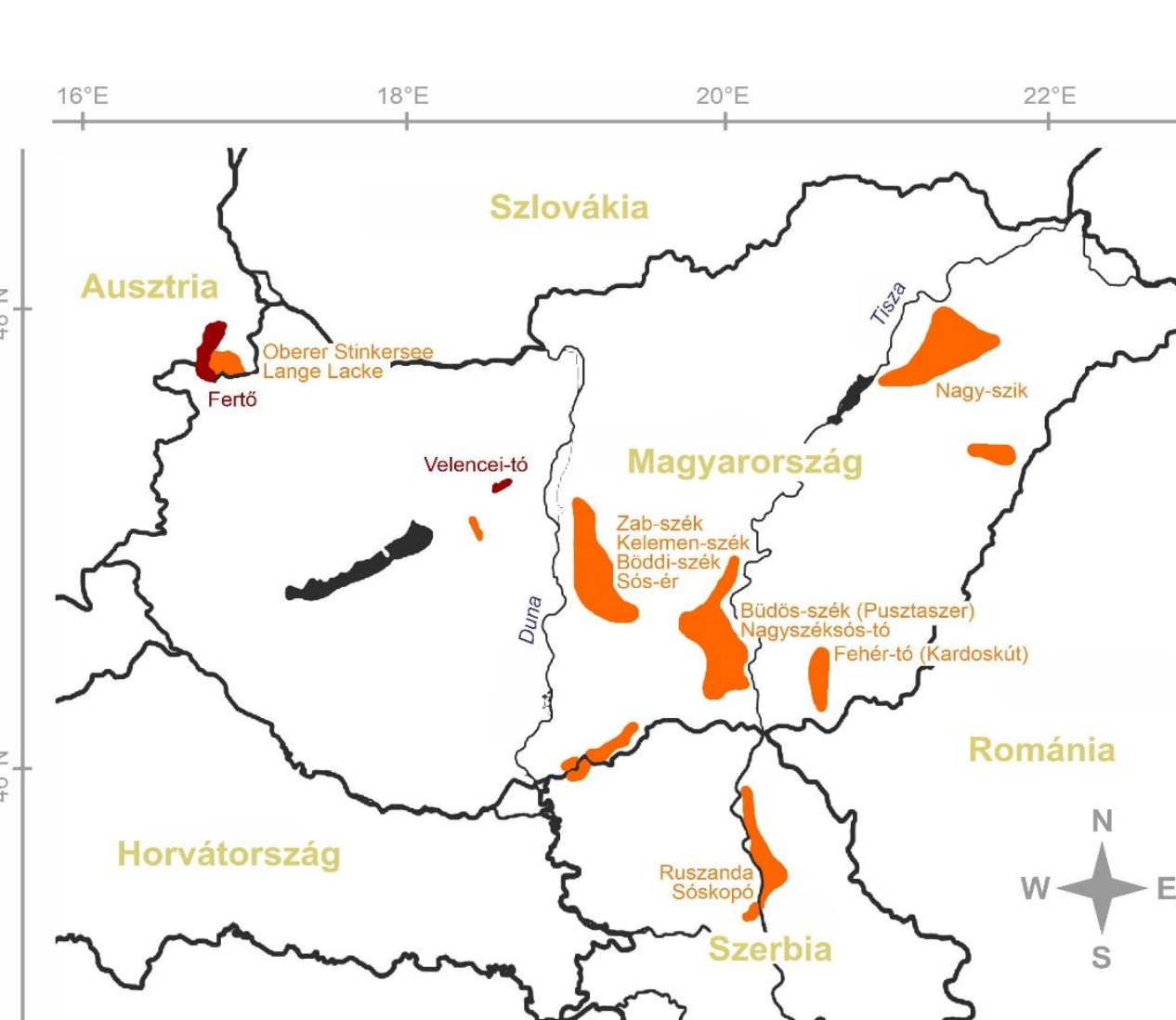
### A *Phragmitibacter flavus* gen. nov. sp. nov. a Fertőből származó, Gram negatív baktérium



*P. flavus* MG-N-17<sup>T</sup> baktériumtörzs rokonsági viszonyait szemléltető ML filogenetikai fa

Genomja 44 kontigot tartalmaz, N50 érték: 348255 nukleotid, 56,5x lefedettség értékkel; G+C: 56,88%, CDS 5338, genom mérete: 5910933 bp

### Három új *Belliella* fajt írtunk le szikes környezetekből. Ezen baktériumok élőhelyi eloszlását is feltártuk.



(Bóka Károly felvétele)



(Felföldi Tamás fotói)

### A kutatásban résztvevő tanszéki kollégák:

Tóth Erika, Felföldi Tamás, Kéki Zsuzsa, Makk Judit, Szuróczi Sára, Borsodi Andrea, Máriaigetzi Károly, Vajna Balázs  
Fontosabb kooperációs partnerek:

DSMZ-Deutsche Sammlung von Mikroorganismen und Zellkulturen GmbH, Braunschweig, Germany

ELTE Állatrendszertani és Ökológiai Tanszék, ELTE Növényiszervezettani Tanszék, Balatoni Limnológiai Kutatóintézet

Kapcsolódó publikációk / Related publications:

